

## RESISTÊNCIA À FOSFOMICINA EM ESTIRPES DE *Salmonella* spp. ISOLADAS DE FRANGOS COMERCIAIS

Beatriz Alves de Almeida<sup>1</sup>; Terezinha Knöbl<sup>2</sup>

Faculdade de Medicina Veterinária - FMU

Faculdade de Medicina Veterinária e Zootecnia da USP

e-mail: [bia.sp12@hotmail.com](mailto:bia.sp12@hotmail.com); tknobl@usp.br

### Objetivos

Recentemente, a emergência de sorovares de *Salmonella* spp. com perfil de resistência múltipla aos antimicrobianos aumentou a preocupação de saúde pública, associada aos surtos de doenças de transmissão alimentar veiculados por alimentos de origem aviária (OMS, 2016). Os objetivos deste trabalho foram isolrar e identificar estirpes de *Salmonella* spp em fezes de frangos de corte em granjas do Estado de São Paulo e Minas Gerais; determinar o perfil de susceptibilidade aos antimicrobianos e pesquisar a presença do gene de resistência *fosA* nos isolados.

### Métodos e Procedimentos

Amostras de fezes (n=5) foram coletadas de 10 galpões de frangos de corte de quatro sistemas de integração dos Estados de SP e MG. O total de 200 amostras foi processado no Laboratório de Medicina Aviária da FMVZ-USP, para isolamento e identificação de *Salmonella* spp. O cultivo foi realizado em água peptonada, seguido de enriquecimento seletivo em caldo tetracionato de sódio e plaqueamento em ágar XLT4 e ágar verde Brilhante (AVB), com incubação a 37°C, por 24-48 h. As colônias confirmadas por série bioquímica foram estocadas e congeladas a -70°C. O perfil de resistência antimicrobiana foi avaliado pelo método de disco difusão (CLSI, 2013). A pesquisa do gene *fosA* foi realizada por PCR, de acordo com a metodologia descrita por Hou et al. (2013).

### Resultados Parciais

Das 200 amostras analisadas 18 (9%) foram positivas para *Salmonella* spp. (Figura 1).

Todos os isolados foram negativos para o gene *fosA*. No entanto apresentaram perfil de resistência múltipla, com resistência para os seguintes antibióticos: tetraciclina (100%), ampicilina (88,89%), céfalosporina (44,44%) e ceftiofur (44,44%).



Figura 1: Colônias de *Salmonella* em ágar XLT4.

### Conclusões

Os dados deste trabalho demonstraram a presença de estirpes de *Salmonella* spp. multirresistentes em amostras fecais de frangos de corte nos Estados de SP e MG.

### Referência Bibliográfica

- OMS. WHO, 5th Revision 2016, Ranking of antimicrobial agents for risk management of antimicrobial resistance due to non-human use.  
CLSI. (CLSI) C and LS (2013) Performance standards for antimicrobial disk and dilution susceptibility tests for bacteria isolated from animals; approved standard. VET01-A4., 4th Ed. Wayne, PA, USA.  
Hou et al. Detection of plamid-encoded fosfomycin resistance gene *fosA3* in E. coli of food-animal origin. JAC, v.68, p766-70, 2013;